

LABOKLIN s.r.o. • Líščie údolie 57 • 84231 Bratislava

Zvieracia klinika PASEK, s.r.o.
MVDr. Ivan Pasek
Oresianska 1A
91701 Trnava
Slovensko

Cislo nalezu:	2310-B-18776
Datum prijatia vzorky:	12.10.2023
Datum vysledku:	31.10.2023
Zaciatok vysetrenia:	12.10.2023
Ukoncenie vysetrenia:	12.10.2023
Stav nalezu:	Konecny nalez

Druh:	pes
Plemeno:	Poodle
Pohlavie:	samcie
Meno:	Astin Arjean Z Deninskynej Zahrady
C. zapisu v plemennej knihe:	404
Císlo cipu:	941000026781024
Datum narodenia / vek:	05.02.22
Typ vzorky:	EDTA krv
Datum odberu vzorky:	09.10.2023
Vzorku odoberal:	MVDr.Pasek Ivan
Majitel:	Kopcova, Miriam
ID Cislo nalezu:	---

Paket Pudel 2

Parameter	Hodnota
Meno:	Astin Arjean Z Deninskynej Zahrady
Cis.v plem. knihe:	404.00
Cislo mikrocipu:	941000026781024
Cislo tetovania:	---

Degenerativna myelopatia - PCR

Vysledok: Genotyp N/N (exon 2)

Interpretacia: vysetrovane zviera je homozygot pre volnu alelu. Nie je nositeľom mutácie, ktorá je rizikovým faktorom pre vznik DM v exone 2 SOD1 genu.

Dedícnosť: autozomálne recesívna

Upozornenie: u plemena bernský salašnícky pes sa do súvislosti s DM dáva aj mutácia v exone 1 SOD1 genu.

vWD Typ I - PCR

Vysledok: Genotyp N/N

Interpretacia: Vysetrovane zviera je homozygotne pre wildtype alelu (zdravu). Nie je nositeľom mutácie pre vWD Typ I v gene vWF.

Dedícnosť: autozomálne dominantná s variabilnou penetranciou

Výsledok je platný len pre plemena doberman, nemecký pinc, manchesterský terier, bernský salašnícky pes, Coton de Tulear, Drentse Patrijshond, Kerry Blue Terrier, írsky seter, Papillon, Stabyhound, Welsh Corgi a pudel.

Neonatalna encefalopatia - PCR

Výsledok: Genotyp N/N

Interpretácia: Vyšetované zviera je homozygotné pre wildtype alelu (zdravú). Nie je nositeľom kauzálnej mutácie pre NEWS v gene ATF2.

Dedičnosť: autozomálne recesívna

Korelácia medzi touto mutáciou a ochorením bola doposiaľ popisovaná u nasledujúcich plemien: veľký pudel.

prcd-PRA - PCR *

Výsledok: genotyp N/N (A)

Interpretácia: vyšetované zviera je homozygot pre divokú alelu (zdravú). Nie je nositeľom mutácie, ktorá je popisovaná ako príčina vzniku prcd-PRA v PRCD-gene.

Dedičnosť: autozomálne recesívna

Výsledok je platný len pre do laboratória doručený materiál a plemena americký kokerspaniel, americký eskimacký pes, austrálsky dobytkársky pes, austrálsky ovčiak, Australian Stumpy Tail Cattle Dog, Barbet, Beardet Collie, bolonský psík, Bolonka zvetná, Chesapeake Bay retriever, civava, čínsky chocholaty pes, anglický kokerspaniel, English Shepherd, entlenbuský salašnícky pes, fínsky laponský pes, zlatý retriever, Jack Russell Terrier, karelský medveď pes, Kuvasz, laponský pastiersky pes, labradorský retriever, Lagotto Romagnolo, Markiesje, nórsky losí pes, Nova Scotia Duck Tollig Retriever, Parson Russel Terrier, portugalský vodný pes, pudel, veľký bradac, siperka, silky terier, španielsky vodný pes, spic, švédsky laponský pes, Waller, Jorkšírsky terier.

Progresívna retinálna atrofia (rcd4 PRA) - PCR

Výsledok: genotyp N/PRA

Interpretácia: vyšetované zviera je heterozygotným nositeľom mutácie popisovanej ako príčina vzniku rcd4-PRA v C2orf71-gene.

Dedičnosť: autozomálne recesívna

Korelácia medzi touto mutáciou a ochorením bola doposiaľ popisovaná u nasledujúcich plemien: starodánsky stavac, austrálsky dobytkársky pes, anglický seter, gordon seter, írsky seter, írsky červenobiely seter, malý münsterlandský stavac, poľský nížinný ovčiak, poľský podhalanský ovčiak, pudel, tibetský terier.

UPOZORNENIE: Predpokladá sa, že existujú aj ďalšie, doteraz neznáme mutácie, nakoľko cca 10% chorých psov plemien írsky a gordon seter a cca 80% chorých psov plemena tibetský terier nenesú túto mutáciu.

A-lokus (agouti) ASIP analýza - PCR

ASIP haplotyp analýza

ASIP haplotyp: Genotyp BB1/a

Interpretation: The genotype BB1/a has been found for the submitted samples ASIP haplotypes. The corresponding dog is heterozygous for the BB1 allele for black back 1 and the a allele for recessive unicolor.

Genotypy pre varianty VP a HCP logicky urcuju dva ASIP haplotypy (DY, SY, AG, BS, BB1-3) kazdy. Spolu s "knockout" variantom a umoznuju vypocitat konečne genotypy na A lokuse. Alelicky rad ASIP haplotypov najdete v prilozenej tabulke alebo tu: www.labogen.com/en/asip

B-Lokus (hneda, chocolate, liver(nose))

Tato geneticka analyza B-lokusu zahrna tri doposial pre vsetky plemena popisane varianty bd, bc a bs, ako aj zodpovedajucu wildtype alelu ako alelu N.

Variant bd

Vysledok pre bd: Genotyp N/N (predtym B/B)

Interpretacia: Vysetrovane zviera nie je nositeľom alely bd.

Variant bc

Vysledok pre bc: Genotyp N/N (predtym B/B)

Interpretacia: Vysetrovane zviera nie je nositeľom alely bc.

Variant bs

Vysledok pre bs: Genotyp N/N (predtym B/B)

Interpretacia: Vysetrovane zviera nie je nositeľom alely bs.

Pokiaľ sa jeden z variantov vyskytuje homozygotne, bude tmavý pigment zodpovedajúco zmenený. Pokiaľ sa na B lokuse vyskytuje viac variantov heterozygotne, nie je možné priamo určiť vplyv na eumelanín.

Celkový genotyp komplexu B-lokusu je možné jednoznačne popísať len ak sú testované všetky doposiaľ známe alely na B-lokuse (bd, bc, bs, b4 a be). Niektoré z týchto alel sa vyskytujú len u určitých plemien.

Upozornenie: Nazvoslovie výsledkov bolo upravené z dôvodov zosuladenia výsledkov genetických testov.

D - Lokus (dilucia) - PCR

Vysledok pre d1: Genotyp N/N (predtym D/D)

Interpretacia: Vysetrovane zviera nie je nositeľom alely d1.

Celkový genotyp komplexu D-lokusu je možné jednoznačne popísať len ak sú testované všetky doposiaľ známe alely na D-lokuse (d1, d2 a d3). Niektoré z týchto alel sa vyskytujú len u určitých plemien.

Upozornenie: Nazvoslovie výsledkov bolo upravené z dôvodov zosuladenia výsledkov genetických testov.

E-lokus (farba zlta) - PCR

Vysledok pre e1: Genotyp N/N (predtym E/E)

Interpretacia: Vysetrovane zviera nie je nositeľom alely e1.

Celkový genotyp komplexu E-lokusu je možné jednoznačne popísať len ak sú testované všetky doposiaľ známe alely na E-lokuse (e1, e2, e3, eA, eg, eh a EM). Niektoré z týchto alel sa vyskytujú len u určitých plemien.

Upozornenie: Nazvoslovie výsledkov bolo upravené z dôvodov zosuladenia výsledkov genetických testov.

K-lokus - (PCR)

Vysledok: Genotyp Kb/Kb

Interpretacia: Vysetrovane zviera je homozygotne pre alelu Kb.

Test zahrna alely Kb a ky. Alelicky rad: Kb dominuje nad ky.

K-Lokus (brindle)

Upozornenie: LABOKLIN neponuka preposielanie vzoriek na "brindle" geneticky test. V laboratoriu LABOKLIN v Bad Kissingene sa uskutočnujú testy na K-lokuse, testujú sa však len alely KB a ky. Takyto vysledok nema žiadnu vypovednu hodnotu o prítomnosti alebo neprítomnosti alely kbr (brindle).

Odber vzorky:

Nizšie uvedeny nezávisly odberateľ vzorky (veterinárny lekár, poradca chovu, alebo iný..) svojim podpisom potvrdil odber a preverenie identity zvierata pri odbere vzorky.

MVDr.Pasek Ivan

Naklady za kuriera

Combination Poodle

Parameter	Hodnota
Meno:	Astin Arjean Z Deninskynej Zahrady
Cis.v plem. knihe:	404.00
Cislo mikrocipu:	941000026781024
Cislo tetovania:	---

Degenerativna myelopatia - PCR

Vysledok: Genotyp N/N (exon 2)

Interpretacia: vysetrovane zviera je homozygot pre volnu alelu. Nie je nositeľom mutácie, ktorá je rizikovým faktorom pre vznik DM v exone 2 SOD1 genu.

Dedícnosť: autozomálne recesívna

Upozornenie: u plemena bernský salašnícky pes sa do súvislosti s DM dáva aj mutácia v exone 1 SOD1 genu.

vWD Typ I - PCR

Vysledok: Genotyp N/N

Interpretacia: Vysetrovane zviera je homozygotne pre wildtype alelu (zdravu). Nie je nositeľom mutácie pre vWD Typ I v gene vWF.

Dedícnosť: autozomálne dominantná s variabilnou penetranciou

Vysledok je platný len pre plemena doberman, nemecký pinc, manchesterský terier, bernský salašnícky pes, Coton de Tulear, Drentse Patrijshond, Kerry Blue Terrier, írsky seter, Papillon, Stabyhound, Welsh Corgi a pudel.

Neonatalna encefalopatia - PCR

Vysledok: Genotyp N/N

Interpretacia: Vysetrované zviera je homozygotné pre wildtype alelu (zdravú). Nie je nositeľom kauzálnej mutácie pre NEWS v gene ATF2.

Dedičnosť: autozomálne recesívna

Korelácia medzi touto mutáciou a ochorením bola doposiaľ popisovaná u nasledujúcich plemien: veľký pudel.

prcd-PRA - PCR *

Vysledok: genotyp N/N (A)

Interpretacia: vysetrované zviera je homozygot pre divokú alelu (zdravú). Nie je nositeľom mutácie, ktorá je popisovaná ako príčina vzniku prcd-PRA v PRCD-gene.

Dedičnosť: autozomálne recesívna

Výsledok je platný len pre do laboratória doručený materiál a plemena americký kokerspaniel, americký eskimacký pes, austrálsky dobytkársky pes, austrálsky ovčiak, Australian Stumpy Tail Cattle Dog, Barbet, Beardet Collie, bolonský psiik, Bolonka zvetná, Chesapeake Bay retriever, civava, čínsky chocholaty pes, anglický kokerspaniel, English Shepherd, entlenbuský salasnický pes, fínsky laponský pes, zlatý retriever, Jack Russell Terier, karelský medveď pes, Kuvasz, laponský pastiersky pes, labradorský retriever, Lagotto Romagnolo, Markiesje, nórsky losí pes, Nova Scotia Duck Tollig Retriever, Parson Russel Terrier, portugalský vodný pes, pudel, veľký bradac, siperka, silky terier, spanielsky vodný pes, spic, švédsky laponský pes, Waller, Jorkšírsky terier.

Progresívna retinalna atfia (rcd4 PRA) - PCR

Vysledok: genotyp N/PRA

Interpretacia: vysetrované zviera je heterozygotným nositeľom mutácie popisovanej ako príčina vzniku rcd4-PRA v C2orf71-gene.

Dedičnosť: autozomálne recesívna

Korelácia medzi touto mutáciou a ochorením bola doposiaľ popisovaná u nasledujúcich plemien: starodánsky stavac, austrálsky dobytkársky pes, anglický seter, gordon seter, írsky seter, írsky červenobiely seter, malý muensterlandský stavac, poľský nízinny ovčiak, poľský podhalanský ovčiak, pudel, tibetský terier.

UPOZORNENIE: Predpokladá sa, že existujú aj ďalšie, doteraz neznáme mutácie, nakoľko cca 10% chorých psov plemien írsky a gordon seter a cca 80% chorých psov plemena tibetský terier nenesú túto mutáciu.

Výsledok je platný len pre do laboratória doručený materiál. Zodpovednosť za správnosť údajov k doručeným vzorkám nesie zasielateľ. Povinnosť k náhrade škody je v rozsahu povolenom zákonom obmedzená na výšku sumy vyúčtovanej za vykonané vyšetrenia.

Nie sú vylúčené ani ďalšie genové mutácie, ktoré môžu takisto viesť ku klinickému obrazu ochorenia. Vyšetrenie/a bolo/i prevedené podľa súčasných vedeckých poznatkov.

Vyšetrujúce laboratórium Laboklin GMBH je pre tieto vyšetrenia akreditované podľa DIN EN ISO/IEC 17025:2018 (okrem ich partnerských laboratórií).

Doplňkové údaje:

Výsledky vyšetrení sa vzťahujú na k nam zaslane vzorky. Dorucene vzorky boli vhodné na vyšetrenie, pokiaľ nie je v nálezoch vyššie uvedené inak. Za odber a správnosť uvedených údajov ku vzorkám zodpovedá zasielateľ. Tento nález z vyšetrenia môže byť ďalej sprostredkovaný len v plnom znení a nezmenený. Odlišné postupy si vyžadujú písomný súhlas spoločnosti Laboklin.

Laboklin s.r.o. je skusobné laboratórium akreditované podľa EN ISO/IEC 17025:2017, číslo osvedčenia Reg. No. 753/S-408. Akreditácia sa vzťahuje na testy uvedené v tomto dokumente. Akreditované vyšetrenia sú označené ako (A). Vyššie uvedené interpretácie nespadajú do rozsahu akreditácie SNAS. <https://sk.laboklin.online/wp-content/uploads/osvedcenie-o-akreditacii-210709.pdf>

Názov dokumentu: Z-14.0_4 Výsledkový protokol

*: testovanie prebieha v partnerskom laboratóriu

MVDr. Erika Starková
Klinická lab. diagnostika

***** KONIEC nálezu *****